



DZIENNIK USTAW

RZECZYPOSPOLITEJ POLSKIEJ

Warszawa, dnia 17 czerwca 2014 r.

Poz. 796

ROZPORZĄDZENIE MINISTRA ROLNICTWA I ROZWOJU WSI¹⁾

z dnia 3 czerwca 2014 r.

zmieniające rozporządzenie w sprawie stawek dotacji przedmiotowych dla różnych podmiotów wykonujących zadania na rzecz rolnictwa

Na podstawie art. 130 ust. 5 ustawy z dnia 27 sierpnia 2009 r. o finansach publicznych (Dz. U. z 2013 r. poz. 885, z późn. zm.²⁾) zarządza się, co następuje:

§ 1. W rozporządzeniu Ministra Rolnictwa i Rozwoju Wsi z dnia 18 maja 2010 r. w sprawie stawek dotacji przedmiotowych dla różnych podmiotów wykonujących zadania na rzecz rolnictwa (Dz. U. Nr 91, poz. 595, z późn. zm.³⁾) wprowadza się następujące zmiany:

1) w § 11:

a) po ust. 3 dodaje się ust. 3a w brzmieniu:

„3a. Dotacja nie przysługuje organizacji badawczej na badania, których cel lub metodyka pokrywają się z celem lub metodyką badań finansowanych z innych źródeł, prowadzonych przez tę organizację na tych samych gatunkach.”,

b) ust. 5 otrzymuje brzmienie:

„5. Do wniosku o udzielenie dotacji dołącza się:

- 1) wstępną kalkulację kosztów kwalifikujących się do objęcia dotacją, sporządzoną na formularzu, którego wzór jest określony w załączniku nr 2 do rozporządzenia we wzorze nr 16;
- 2) wykaz publikacji składających się na dorobek naukowy zespołu badawczego w zakresie objętym wnioskiem o udzielenie dotacji, w tym osoby kierującej badaniami;
- 3) szczegółowy opis zadania;
- 4) zestawienie wydatków planowanych w ramach poszczególnych rodzajów kosztów wyszczególnionych w kalkulacji, o której mowa w pkt 1;
- 5) oświadczenie wnioskodawcy, że cel lub metodyka badań objętych wnioskiem nie pokrywają się z celem lub metodyką badań finansowanych z innych źródeł, prowadzonych przez tego wnioskodawcę na tych samych gatunkach.”,

c) po ust. 5 dodaje się ust. 5a w brzmieniu:

„5a. Rozpatrując wniosek o udzielenie dotacji na badania określone w ust. 1, bierze się pod uwagę ich wartość naukową, adekwatność kosztów tych badań do oczekiwanych wyników, możliwość wykonania badań przez zespół badawczy oraz doświadczenie zespołu badawczego w prowadzeniu badań w danym zakresie, w tym osoby kierującej badaniami.”,

¹⁾ Minister Rolnictwa i Rozwoju Wsi kieruje działami administracji rządowej – rolnictwo i rozwój wsi, na podstawie § 1 ust. 2 pkt 1 i 2 rozporządzenia Prezesa Rady Ministrów z dnia 18 listopada 2011 r. w sprawie szczegółowego zakresu działania Ministra Rolnictwa i Rozwoju Wsi (Dz. U. Nr 248, poz. 1486).

²⁾ Zmiany tekstu jednolitego wymienionej ustawy zostały ogłoszone w Dz. U. z 2013 r. poz. 938 i 1646 oraz z 2014 r. poz. 379.

³⁾ Zmiany wymienionego rozporządzenia zostały ogłoszone w Dz. U. z 2010 r. Nr 259, poz. 1772, z 2011 r. Nr 121, poz. 691, z 2012 r. poz. 271 oraz z 2013 r. poz. 752.

d) w ust. 6 w pkt 2 kropkę zastępuje się średnikiem i dodaje się pkt 3 w brzmieniu:

„3) przedłożenia ministrowi właściwemu do spraw rolnictwa sprawozdania merytorycznego z wykonanego zadania w terminie do dnia 15 stycznia roku następującego po roku, w którym wykonano badania.”,

e) ust. 7 otrzymuje brzmienie:

„7. Minister właściwy do spraw rolnictwa wypłaca:

1) 50% udzielonej dotacji w terminie do dnia 31 lipca roku, w którym została udzielona dotacja;

2) pozostałą kwotę udzielonej dotacji w terminie do dnia 10 grudnia roku, w którym została udzielona dotacja.”;

2) w załączniku nr 1 do rozporządzenia:

a) lp. 26 otrzymuje brzmienie:

26	Prowadzenie ksiąg koni ras: małopolskiej, wielkopolskiej, polski koń szlachetny półkrwi, śląskiej, polski koń zimnokrwisty, huculskiej, konik polski, kuców i ardenów polskich	1) wynagrodzenia 2) pochodne od wynagrodzeń 3) podróże służbowe 4) usługi 5) zużycie materiałów i energia 6) amortyzacja (planowane zużycie środków trwałych) 7) pozostałe koszty	5 435 000
----	--	---	-----------

b) lp. 40 otrzymuje brzmienie:

40	Prowadzenie oceny wartości użytkowej koni ras: małopolskiej, wielkopolskiej, polski koń szlachetny półkrwi, śląskiej, polski koń zimnokrwisty, huculskiej, konik polski, kuców i ardenów polskich oraz oceny wartości hodowlanej koni rasy: małopolskiej, wielkopolskiej, polski koń szlachetny półkrwi	1) wynagrodzenia 2) pochodne od wynagrodzeń 3) podróże służbowe 4) usługi 5) zużycie materiałów i energia 6) amortyzacja (planowane zużycie środków trwałych) 7) pozostałe koszty	1 866 000
----	---	---	-----------

c) lp. 48 otrzymuje brzmienie:

48	Prowadzenie oceny wartości hodowlanej jednego buhaja przeznaczonego do wykorzystania w sztucznym unasiennianiu bydła	1) wynagrodzenia 2) pochodne od wynagrodzeń 3) podróże służbowe 4) usługi 5) zużycie materiałów i energia 6) amortyzacja (planowane zużycie środków trwałych) 7) pozostałe koszty 8) narzut kosztów ogólnych	54 000 za sztukę
----	--	---	---------------------

3) załącznik nr 9 do rozporządzenia otrzymuje brzmienie określone w załączniku do niniejszego rozporządzenia.

§ 2. Wnioski o udzielenie dotacji, o której mowa w § 11 ust. 1 rozporządzenia, o którym mowa w § 1, za 2014 r. składa się w terminie 30 dni od dnia wejścia w życie niniejszego rozporządzenia.

§ 3. Dotacja, o której mowa w § 11 ust. 1 rozporządzenia, o którym mowa w § 1, za 2014 r. może być udzielona na pokrycie kosztów badań, o których mowa w § 11 ust. 1 rozporządzenia, o którym mowa w § 1, poniesionych od dnia 1 stycznia 2014 r. do dnia 31 grudnia 2014 r.

§ 4. Rozporządzenie wchodzi w życie z dniem następującym po dniu ogłoszenia.

Załącznik do rozporządzenia Ministra Rolnictwa
i Rozwoju Wsi z dnia 3 czerwca 2014 r. (poz. 796)

Załącznik nr 1

STAWKI DOTACJI NA ZADANIA OBEJMUJĄCE WYKONANIE BADAŃ PODSTAWOWYCH NA RZECZ POSTĘPU BIOLOGICZNEGO W PRODUKCJI ROŚLINNEJ		
Lp.	Zadanie	Stawka (w złotych)
1	2	3
1	Badania nad efektywnością markerów funkcjonalnych w powiązaniu z analizą reologiczną w mikroskali dla oceny cech jakościowych pszenicy zwyczajnej	162 000
2	Wykorzystanie markerów molekularnych i fenotypowych do identyfikacji genów odporności pszenicy na łamliwość źdźbła powodowaną przez <i>Oculimacula yallundae</i> i <i>Oculimacula aciformis</i>	120 000
3	Badania nad wpływem translokacji 1B/1R na efektywność uzyskiwania linii DH pszenicy oraz ich wartość technologiczną	200 100
4	Mapowanie asocjacyjne genów odporności na rdzę brunatną (<i>Puccinia triticina</i>) i septoriozę paskowaną liści (<i>Septoria tritici</i>) w pszenicy	170 000
5	Identyfikacja zmienności genetycznej pszenicy korelującej z potencjałem plonotwórczym i wybranymi cechami systemu korzeniowego	150 000
6	Poszukiwanie oraz wykorzystanie markerów fenotypowych, metabolicznych i molekularnych do badania typów odporności na fuzariozę kłosów u form pszenicy o zróżnicowanej podatności	442 000
7	Identyfikacja efektywnych genów odporności na wybrane choroby wirusowe i grzybowe pszenicy zwyczajnej	200 000
8	Tolerancja na stresy abiotyczne – genotypowanie pszenicy w oparciu o strategię genów kandydujących	150 000
9	Efektywność piramidowania genów odporności na mączniaka prawdziwego (<i>Blumeria graminis</i> f. sp. <i>tritici</i>) i rdzę brunatną (<i>Puccinia triticina</i>) w pszenicy ozimej	170 000
10	Toksyny białkowe <i>Stagonospora nodorum</i> i ich związek z patogennością oraz odpornością pszenżyta i pszenicy na septoriozę liści i plew	219 000
11	Określenie czynników decydujących o zimowaniu pszenicy ozimej i pszenżyta ozimego w warunkach polskich	150 000
12	Analiza zmienności somaklonalnej indukowanej w kulturach <i>in vitro</i> u roślin zbożowych	80 000
13	Opracowanie i wykorzystanie metod biotechnologicznych do skrócenia cyklu hodowlanego pszenżyta oraz do poprawy efektywności selekcji – miejscowo-specyficzna mutageneza z wykorzystaniem miejscowo-specyficznych nukleaz	175 300
14	Badanie typów odporności pszenżyta ozimego na fuzariozę kłosów za pomocą markerów fenotypowych i metabolicznych	185 000
15	Poszukiwanie markerów molekularnych genów utrzymania sterylności pyłku u pszenżyta z cms Tt	155 000
16	Badania nad optymalizacją metod indukowanego podwajania garnituru chromosomowego w haploidalnych regenerantach pszenżyta	100 000
17	Wytwarzanie nowych źródeł genetycznych pszenżyta w oparciu o krzyżowanie oddalone	80 000
18	Badania nad zwiększeniem efektywności uzyskiwania haploidów w procesie androgenezy oraz optymalizacja parametrów otrzymywania podwojonych haploidów pszenżyta ozimego i jarego	120 000
19	Badania nad zwiększeniem odporności żyta na sporysz i na fuzariozę kłosów przez poznanie interakcji pasożyt – żywiciel – środowisko z wykorzystaniem genetycznych źródeł odporności na <i>Claviceps purpurea</i> i grzyby rodzaju <i>Fusarium</i>	143 750
20	Poszukiwanie wspólnych mechanizmów dziedziczenia płodności roślin z cytoplazmą CMS-C oraz z cytoplazmą CMS-Pampa	190 000
21	Poszukiwanie markerów molekularnych genów przywracania płodności pyłku u żyta (<i>Secale cereale</i> L.) z CMS-Pampa	155 000

22	Poszukiwanie źródeł genetycznej odporności na mączniaka i rdzę w kolekcji linii, rodów i odmian żyta	100 000
23	Analiza zmienności epigenetycznej indukowanej stresem suszy oraz ocena jej stabilności transgeneracyjnej w aspekcie tolerancji jęczmienia na stres niedoboru wody	159 000
24	Badania nad wpływem brasinosteroidów na tolerancję roślin jęczmienia na stres niedoboru wody	98 000
25	Molekularne podstawy zjawiska albinizmu w kulturach izolowanych mikrospor jęczmienia	220 800
26	Identyfikacja czynników determinujących odporność jęczmienia ozimego (<i>Hordeum vulgare</i> L.) na suszę i mróz	198 000
27	Współdziałanie odporności na mączniaka (<i>Blumeria graminis</i> f.sp. <i>hordei</i>) warunkowanej genem mlo z wartością cech gospodarczych jęczmienia ozimego	140 000
28	Badania zdrowotności owsa (<i>Avena sativa</i> L.) z uwzględnieniem biologii i szkodliwości wybranych patogenów dla tego zboża	90 000
29	Poszukiwanie źródeł odporności owsa (<i>Avena sativa</i> L.) na nowy patogeniczny i mykotoksynotwórczy gatunek – <i>Fusarium langsethiae</i>	48 300
30	Mapowanie sprzężeniowe i asocjacyjne owsa zwyczajnego	200 000
31	Piramidyzacja genów odporności na rdzę koronową w genomie owsa oraz identyfikacja i lokalizacja markerów DNA dla tych genów	80 000
32	Badanie składników determinujących wartość odżywczą i funkcjonalną owsa oraz ich relacji w ziarnie obłuszczonej i oplewionym	97 000
33	Poszukiwanie form kukurydzy o wysokiej odporności na fuzariozę kolb i zgorzel podstawy łodygi powodowane przez grzyby z rodzaju <i>Fusarium</i> spp.	130 000
34	Określenie zróżnicowania genetycznego linii wsobnych kukurydzy za pomocą markerów molekularnych	85 000
35	Identyfikacja genów związanych z ekspresją zimotrwałości i tolerancji suszy u form introgresywnych <i>Lolium multiflorum</i> / <i>Festuca arundinacea</i>	150 000
36	Gromadzenie i ocena kolekcji ekotypów traw wieloletnich z uwzględnieniem cech warunkujących ich wykorzystanie na cele alternatywne	160 000
37	Badanie możliwości zwiększenia żywotności i stopnia zapylenia kwiatów gryki zwyczajnej w celu uzyskania wyższego plonu nasion	160 000
38	Badanie cech warunkujących zawiązywanie nasion, ich jakość oraz plon w wybranych gatunkach traw wieloletnich	151 000
39	Cecha wczesności kwitnienia u łubinu białego i łubinu żółtego – podstawy genetyczne i molekularne	100 000
40	Identyfikacja rejonów w genomie grochu, warunkujących wybrane parametry sprawności fizjologicznej, jako istotnego elementu odporności na stresy abiotyczne	160 000
41	Identyfikacja i sposób dziedziczenia genów warunkujących odporność na choroby grzybowe i niską zawartość alkaloidów w doskonaleniu wartości użytkowej łubinów, ze szczególnym uwzględnieniem łubinu żółtego	183 000
42	Analiza zmienności genetycznej i piramidyzacja genów warunkujących cechy użytkowe łubinu białego	75 000
43	Analiza bioróżnorodności zasobów genowych soi przydatnej do hodowli w warunkach klimatycznych Polski i opracowanie metodyki krzyżowania międzygatunkowego <i>Glycine max</i> x <i>Glycine soja</i>	80 000
44	Identyfikacja i zastosowanie fenotypowych i molekularnych markerów tolerancji na stres suszy u buraka cukrowego	178 300
45	Opracowanie metod globalnej analizy polimorfizmów w genomie buraka cukrowego	230 000
46	Badania nad mechanizmami warunkującymi proces embriogenezy gametycznej u buraka cukrowego	140 000
47	Jedno- i wielozmienne modele analizy wariancji i kowariancji dla doświadczeń populacyjnych i mieszańcowych z rzepakiem ozimym	120 000
48	Badanie genomu rzepaku ozimego przy wykorzystaniu markerów molekularnych	330 000
49	Badanie bioróżnorodności gatunków z plemienia <i>Brassicaceae</i> w celu otrzymania form rzepaku ulepszonych pod względem odporności na patogeny	120 000

50	Zastosowanie konwencjonalnych i molekularnych narzędzi fitopatologicznych w poszukiwaniu źródeł odporności na kiłę kapusty oraz charakterystyka aktualnej populacji patogenu w Polsce	215 000
51	Wprowadzanie nowych alleli z pul genowych różnych gatunków z rodzaju <i>Brassica</i> do bazy genowej rzepaku ozimego	130 000
52	Badania nad indukcją embriogenezy mikrospor u roślin z rodzaju <i>Brassica</i>	130 000
53	Wykorzystanie nowej puli genowej dla uzyskania form rzepaku ozimego o zmienionych cechach jakościowych	250 000
54	Introdukcja genów odporności na choroby i owady oraz męskiej sterility z pokrewnych gatunków rodzaju <i>Brassica</i> do rzepaku (<i>Brassica napus</i> L.)	160 000
55	Opracowanie modeli kalibracyjnych dla spektrometru NIRS o zakresie widma 400-2500 nm dla oznaczania glukozytanów, białka, NDF, ADF oraz steroli i badania zmienności tych związków w roślinach oleistych	145 000
56	Badania ekspresji i genetyczna charakterystyka odporności na bakterie <i>Dickeya solani</i> w wyróżnionych źródłach odporności w ziemniaku na poziomie diploidalnym	140 000
57	Badania nad opracowaniem metod selektywnej izolacji oraz czułej identyfikacji bakterii <i>Clavibacter michiganensis</i> ssp. <i>sepedonicus</i> w trudnych diagnostycznie próbach środowiskowych	400 000
58	Opracowanie czułych metod wykrywania najważniejszych wirusów ziemniaka	357 000
59	Badania tolerancji odmian ziemniaka na stropy abiotyczne w świetle postępujących zmian klimatycznych	200 000
60	Wyróżnianie form ziemniaka o złożonej odporności na mątwiki atakujące ziemniak przy wykorzystaniu metod konwencjonalnych i molekularnych. Charakterystyka nowego źródła odporności na <i>Globodera pallida</i> znalezionej w <i>Solanum gourlayi</i>	154 000
61	Wyróżnianie i charakterystyka tetraploidalnych form ziemniaka odpornych na wirusy M i S ziemniaka z wykorzystaniem selekcji metodami konwencjonalnymi i markerami molekularnymi	143 000
62	Analiza interakcji genotypowo-środowiskowej w odniesieniu do wybranych cech użytkowych ziemniaka jadalnego w różnych systemach uprawy	172 000
63	Eliminacja patogenów niekwarentanowych (bakterie endogenne i wirusy) oraz kontrola zdrowotności roślin ziemniaka w banku <i>in vitro</i>	120 000
64	Wykorzystanie metod biotechnologicznych do poszerzenia zmienności genetycznej warzyw kapustnych	220 000
65	Otrzymywanie homozygotycznych roślin buraka ćwikłowego z zastosowaniem embriogenezy gametycznej	200 000
66	Badania nad opracowaniem molekularnej metody identyfikacji genów warunkujących ważne cechy użytkowe pomidora	210 000
67	Otrzymanie nowej zmienności genetycznej warzyw kapustowatych przy wykorzystaniu krzyżowań oddalonych w rodzaju <i>Brassica</i>	200 000
68	Analiza czynników genetycznych związanych z przywracaniem płodności roślin buraka ćwikłowego	110 000
69	Opracowanie i wykorzystanie wysokowydajnych technik selekcji genomowej w doskonaleniu warzyw	220 000
70	Indukowanie zmienności genetycznej jabłoni na drodze poliploidyzacji <i>in vitro</i> oraz ocena fenotypowa i genetyczna uzyskanych poliploidów w odniesieniu do diploidalnych form wyjściowych	104 500
71	Analiza genetyczna i molekularna wybranych genotypów jabłoni (<i>Malus domestica</i>) dla skrócenia okresu juvenilnego i poprawy jakości owoców	270 000
72	Ocena potencjału genetycznego wybranych genotypów borówki wysokiej (<i>Vaccinium corymbosum</i> L.) w oparciu o czynnikowy układ krzyżowań	175 000
73	Poszukiwanie regionów DNA sprzężonych z tolerancją wegetatywnych podkładek jabłoni na niskie temperatury poprzez analizę transkryptomu i ocenę stopnia polimorfizmu genów kandydujących	190 000
74	Badania nad saturacją mapy genetycznej Elsanta x Senga Sengana pod kątem lokalizacji genów sprzężonych z ważnymi cechami użytkowymi truskawki (<i>Fragaria x ananassa</i>)	190 000

75	Badania nad możliwością poszerzenia zmienności genetycznej maliny właściwej (<i>Rubus idaeus</i>) pod względem różnej pory dojrzewania i jakości owoców	175 000
76	Badania nad możliwością zwiększenia zawartości składników bioaktywnych w owocach truskawki na drodze hybrydyzacji wewnątrz- i międzygatunkowej w obrębie rodzaju <i>Fragaria</i>	190 000
77	Hybrydyzacja oddalona gatunków <i>Prunus cerasifera</i> (ałycza), <i>Prunus armeniaca</i> (morela), <i>Prunus salicina</i> (śliwa japońska), <i>Prunus domestica</i> (śliwa domowa) w celu zwiększenia bioróżnorodności genetycznej w obrębie rodzaju <i>Prunus</i>	190 000
78	Charakterystyka markerów molekularnych, sprzężonych z odpornością na wielkopąkowca porzeczkowego (<i>Cecidophyopsis ribis</i>)	142 500
79	Analiza czynników warunkujących organogenezę agrestu (<i>Ribes grossularia</i> L.) w kulturach <i>in vitro</i> i <i>in vivo</i> oraz ocena genetyczna i fenotypowa otrzymanego materiału	140 000